

文件内容查看与比较命令



鹦鹉学舌的 `cat`

攻坚克难的 `zcat`

管中窥豹的 `head/tail`

见多识广的 `more`

以少胜多的 `less`

求同存异的 `comm`

吹毛求疵的 `diff`

cat命令

重庆邮电大学 生物信息学院

解增言



鹦鹉学舌的cat命令



cat命令档案



命令全名： con**cat**enate（连接、合并）

命令用途： 显示标准输入或文件内容到标准输出

命令格式： cat [option] [file]

常用选项：

-n 显示行号

cat命令用法

☞ 显示文件内容

```
$cat animal
```

☞ 合并文件

```
$cat animal plant >organism
```

☞ 从键盘创建文件

```
$cat >food
```

#Ctrl+d结束输入

☞ 从键盘创建文件

```
$cat <<eof >month
```

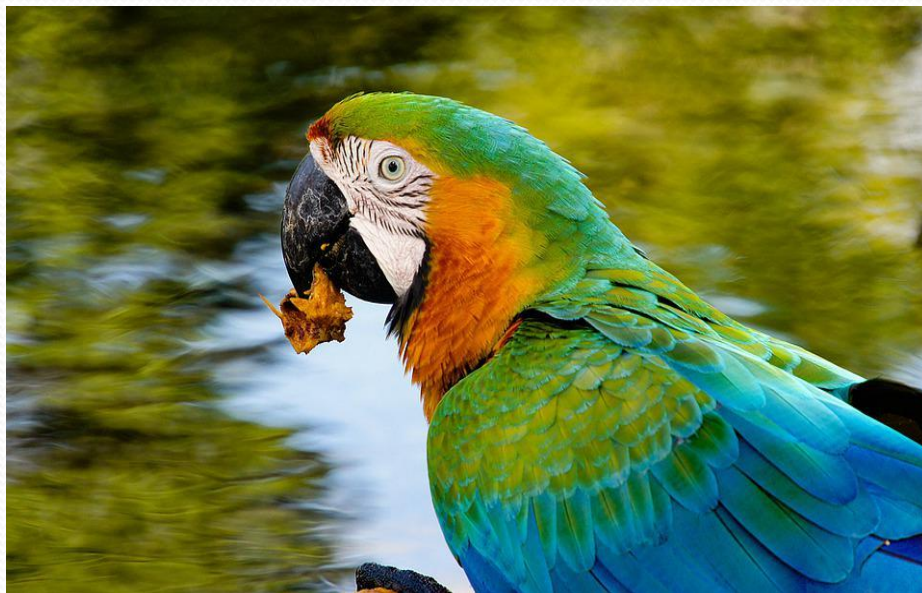
#输入eof结束输入

zcat命令

重庆邮电大学 生物信息学院
解增言



攻坚克难的zcat命令



zcat命令档案



命令全名: **zip concatenate**

命令用途: 显示zip或gzip格式压缩文件内容

命令格式: `zcat [option] [file]`

常用选项:

`-t` 测试模式

zcat命令用法

∞ 显示压缩文件内容

```
$zcat at_LEC1_protein.fa.gz
```

∞ 文件解压缩

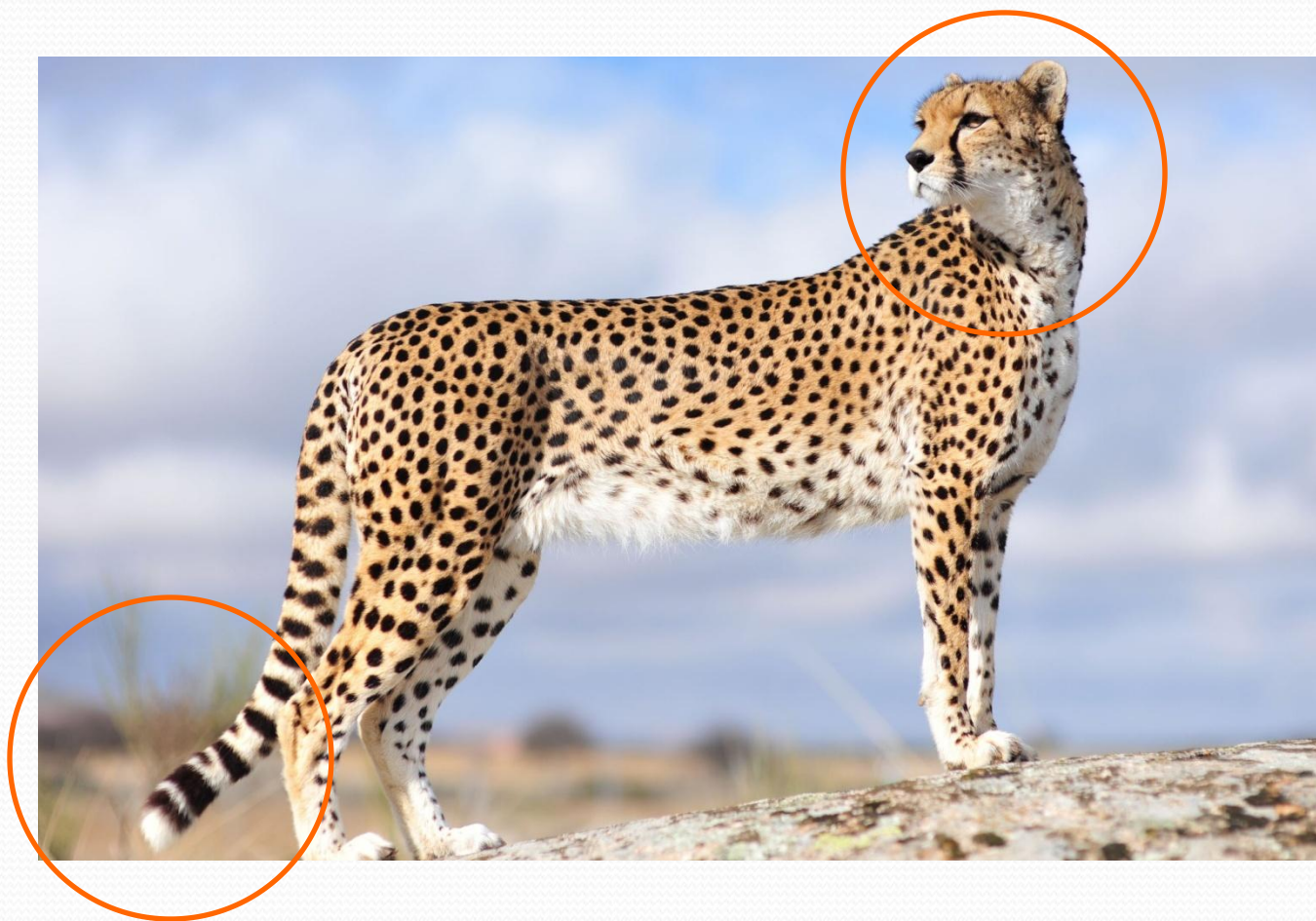
```
$zcat at_LEC1_protein.fa.gz >at_LEC1_protein.fa
```

head与tail命令

重庆邮电大学 生物信息学院
解增言



管中窥豹的head/tail命令



head/tail命令档案



命令全名： head/tail

命令用途： 显示文件前/最后N行内容

命令格式： head/tail [option] [file]

常用选项：

-n N 或 -N 显示N行（N为整数）

head/tail命令用法

∞ 显示文件前10行内容

\$ head month # 没有选项默认显示前10行

∞ 显示文件前5行内容

\$ head -n 5 month # 或

\$ head -5 month

∞ 显示文件最后10行内容

\$ tail month # 没有选项默认显示最后10行

∞ 显示文件尾部5行内容

\$ tail -n 5 month # 或

\$ tail -5 month

more命令

重庆邮电大学 生物信息学院
解增言



见多识广的more命令



more命令档案



命令全名: more

命令用途: 分页显示文件内容

命令格式: more [option] [file]

常用交互操作命令:

Enter	向下n行, 需要定义。默认为1行
f	向下滚动两屏 (向下翻两页)
Ctrl+f	向下滚动一屏 (向下翻一页)
空格键	向下滚动一屏 (向下翻一页)
Ctrl+b	返回上一屏 (向上翻一页)
=	输出当前行的行号
:f	输出文件名和当前行的行号
v	调用vi编辑器
!command	调用Shell命令command
q	退出more

less命令

重庆邮电大学 生物信息学院
解增言



以少胜多的less命令



less命令档案



命令全名: less

命令用途: 分屏显示文件内容

命令格式: less [option] [file]

常用选项:

- i 搜索时忽略大小写
- N 显示行数

less常用的交互操作命令:

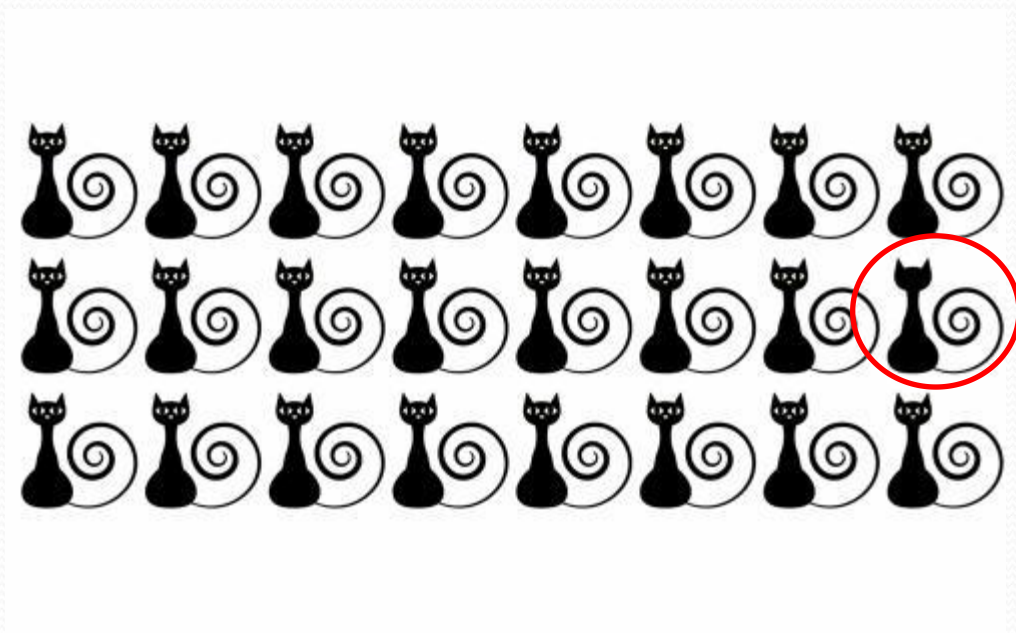
f/空格	向下滚动一屏
b	向上滚动一屏
d	向下滚动半屏
u	向上滚动半屏
j/enter	向下滚动一行
k	向上滚动一行
g	到文件头
G	到文件尾
v	调用VI编辑器
/pattern	向下搜索pattern
?pattern	向上搜索pattern
n	搜索下一个
N	搜索上一个
q	退出less

comm命令

重庆邮电大学 生物信息学院
解增言



求同存异的comm命令



comm命令档案



命令全名: **common**

命令用途: 逐行比较两个排好序的文件内容

命令格式: `comm [option] file1 file2`

常用选项:

- 1 结果不显示文件1特有的行
- 2 结果不显示文件2特有的行
- 3 结果不显示两个文件共有的行

comm命令用法

file1:
1
2
3
4

file2:
1
2
2
4

comm命令



```
$ comm file1 file2
3      2      4
      1      2
      2      4
```

file1特有的行

file1特有的行

两个文件共有的行

comm命令用法

file1:

1

2

3

4

file2:

1

2

2

4

```
$ comm file1 file2
```

		1
		2
3	2	
		4

comm file1 file2结果

```
$ comm -1 file1 file2
```

	1
	2
2	
	4

comm -1 file1 file2结果

```
$ comm -12 file1 file2
```

1
2
4

comm -12 file1 file2结果

diff命令

重庆邮电大学 生物信息学院
解增言



吹毛求疵的diff命令



diff命令档案



命令全名: **different**

命令用途: 逐行比较两个文件内容

命令格式: `diff [option] file1 file2`

常用选项:

- i 忽略大小写
- y 以并列方式显示结果
- W N 使用-y选项时结果显示的最大宽度 (N个字符)
- b 忽略空白 (如空格和制表符) 数量的差异
- w 比较时完全忽略空白
- B 比较时不计算空行

diff命令用法

`$ diff file1 file2`

`$ diff -i file1 file2`

`$ diff -y -W 25 file1 file2`

file1:	file2:
January	January
February	February
March	April
April	May
May	June
June	July
July	March
August	August
September	September
October	October
November	november
December	December

```
$ diff file1 file2
3d2
< March
7a7
> March
11c11
< November
---
> november
```

```
$ diff -i file1 file2
3d2
< March
7a7
> March
```

```
$ diff -y -W 25 file1 file2
January      January
February    February
March        <
April        April
May          May
June         June
July         July
              > March
August       August
September    September
October      October
November     | november
December     December
```



The End